



Centre hospitalier universitaire vaudois

Service de pathologie clinique  
Rue du Bugnon 25 1011 Lausanne  
<http://www.chuv.ch/pathologie>

Secrétariat  
Tél : 021 314 71 11  
Fax : 021 314 71 15  
Email : [lup.secretariat@chuv.ch](mailto:lup.secretariat@chuv.ch)  
Lundi – Vendredi : 8h00-17h00



**Patient**

Nom: .....

Prénom:.....

Sexe: .....

Date de naissance: ... / ... / .....

Adresse complète: .....

N° postal/Localité: .....

V/réf: .....

**Facture:**

Patient (ambulatoire)  Demandeur (hospitalisé)

Caisse maladie: .....

Etiquette code barres pour le CHUV



**Date de la demande**

Jour / Mois / Année:

Signature (si bon papier):

**DEMANDEUR:**

Nom du médecin:.....

Adresse:.....

Bip/Tél:.....

**COPIE(S) à (adresse exacte et complète):**

1: .....

2: .....

3: .....

Etiquette déviation

**Matériel à analyser :**

Réf. IPA : .....

Réf. Labo externe : .....

ADN ou ARN extrait, réf. : .....

Autre : .....

Sang / biopsies liquides : cf. formulaire N° 105

**Diagnostic et renseignements cliniques :**

Ou  
Etiquette de projet

**INDICATIONS STANDARD** (liste complète d'analyses individuelles au verso)

Pathologie	Analyses complètes	Analyses limitées à	Autres analyses
Carcinome pulmonaire (NSCLC) :	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes <input type="checkbox"/> Panel fusions prédictif	<input type="checkbox"/> EGFR BRAF HER2 KRAS <input type="checkbox"/> ALK <input type="checkbox"/> ROS1 <input type="checkbox"/> METex14 <input type="checkbox"/> RET <input type="checkbox"/> NTRK1/2/3	
Carcinome colorectal :	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> KRAS NRAS BRAF	
Mélanome :	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> BRAF NRAS KIT	
GIST :	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> KIT PDGFRA	
Carcinome de la prostate :	<input type="checkbox"/> Panel HRD 27 gènes	<input type="checkbox"/> BRCA1 BRCA2	
Carcinome de l'ovaire :		<input type="checkbox"/> BRCA1 BRCA2	<input type="checkbox"/> Score HRD (MyChoice/Myriad)
Autres marqueurs prédictifs courants :	<input type="checkbox"/> TMB (tumor mutation burden) <input type="checkbox"/> Pan-TRK (IHC, évt. FISH) <input type="checkbox"/> HER2 (IHC, évt. FISH)	<input type="checkbox"/> Protéines MMR (IHC) <input type="checkbox"/> MSI (PCR)	PD-L1 (IHC) : <input type="checkbox"/> TPS <input type="checkbox"/> IC <input type="checkbox"/> CPS

**PANELS NGS** (séquençage à haut débit)

<input type="checkbox"/> Panel 52 gènes	ABL1 AKT1 ALK APC ATM BRAF CDH1 CDKN2A CSF1R CTNNB1 DDR2 EGFR ERBB2 ERBB4 EZH2 FBXW7 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FLT3 GNA11 GNAQ GNAS HNF1A HRAS IDH1 IDH2 JAK2 JAK3 KDR KIT KRAS MAP2K1 MET MLH1 MPL NOTCH1 NPM1 NRAS PDGFRA PIK3CA PTEN PTPN11 RB1 RET SMAD4 SMARCB1 SMO SRC STK11 TP53 VHL		
<input type="checkbox"/> Panel 400 gènes	<input type="checkbox"/> Analyse complète des 400 gènes (liste sur demande) → cas à annoncer à <a href="mailto:reseau.oncologie@chuv.ch">reseau.oncologie@chuv.ch</a> <input type="checkbox"/> Analyse du TMB (tumor mutation burden)		
<input type="checkbox"/> Panel fusions diagnostique	145 gènes (liste sur demande)	<input type="checkbox"/> Panel fusions prédictif	ALK BRAF EGFR ERBB2 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FGR KIT KRAS MET NRG1 NTRK1 NTRK2 NTRK3 PIK3CA PPARG RAF1 RET ROS1
<input type="checkbox"/> Panel BRCA1/2	BRCA1 BRCA2	<input type="checkbox"/> Panel HRD (27 gènes)	ABRAXAS1 ARID1A ARID1B ARID2 ATM ATR ATRX BAP1 BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 FANCA FANCC FANCL MRE11 NBN PALB2 PPP2R1A RAD50 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L
<input type="checkbox"/> Panel lymph. B	54 gènes (liste sur demande)	<input type="checkbox"/> Panel lymph. T (27 gènes)	ARID1A ATM BCOR CARD11 CCR4 CD28 CTNNB1 DDX3X DNMT3A FYN IDH2 IRF4 JAK1 JAK3 KMT2D PIK3CD PLCG1 PRKCB RHOA SETD2 SOCS1 STAT3 STAT5B TET2 TNFRSF1B TP53 VAV1

**Clonalités lymphoïdes**

- Réarrangements *IGH, IGK, IGL*
- Réarrangements *TRG, TRB, évt. TRD*

**Mutations / Indels**

- BRAF* exon 15, évt. 11
- CXCR4* exon 2
- CTNNB1* exon 3 (beta-caténine)
- EGFR* exons 18-21
- EGFR* exon 20 T790M (résistance)
- GNA11* exon 5       *GNAQ* exon 5
- GNAS* exons 8-9
- HER2 (ERBB2)* exon 20
- HRAS* exons 2-3
- IDH1* exon 4       *IDH2* exon 4
- KIT* exons 9,11, évt. 13,17
- KRAS* exons 2-3, évt. 4
- MET* exon 14 skipping mutations
- MYD88* exon 5
- NRAS* exons 2-3, évt. 4
- PDGFRA* exon 18, évt. 12,14
- PIK3CA* exons 10,21
- POLE* exons 9,13
- STAT3* exon 21
- STAT5B* exon 16
- TERT* promoteur
- TP53* (séquence codante complète)

**Amplifications / Délétions**

- 1p / 19q Del (FISH)
- 1p36 Del (FISH)
- CCND1* (FISH)
- CDKN2A* (p16/9p21) Del (FISH)
- CDK4* (FISH)
- EGFR* (FISH)
- FGFR1* (FISH)
- HER2 (ERBB2)* (IHC, évt. FISH)
- Isochromosome 7q (FISH)
- MDM2* (IHC/FISH)
- MET* (IHC et/ou FISH)
- MYC* (FISH)
- MYCN (NMYC)* (FISH)
- PDL1/2* (9p24) (FISH)
- SETD2* (3p21) Del (FISH)
- TP53* (17p13.1) Del (FISH)

**Réarrangements / Translocations**

- ALK* (IHC, évt. FISH)
- BCL2* (FISH)
- IGH-BCL2* t(14;18) (FISH)
- BCL6* (FISH)
- BCL6* ABR (FISH)
- BCR-ABL1* t(9;22) (FISH)
- CCND1* (cycline D1) (FISH)
- CCND1-IGH* t(11;14) (FISH)
- CIITA* (FISH)
- DDIT3* (FISH)
- DUSP22* (6p25) (FISH)
- ETV6* (FISH)
- EWSR1* (FISH)
- FGFR1*    *FGFR2*    *FGFR3* (FISH)
- FIP1L1-PDGFR4* (4q12) (FISH)
- FOXO1* (FISH)
- FUS* (FISH)
- IGH*    *IGK*    *IGL* (FISH)
- IRF4* (6p25) (FISH)
- ITK* (FISH)
- JAK2* (FISH)
- MALT1* (FISH)
- MAML2* (FISH)
- MLL* (FISH)
- MYB* (FISH)
- MYC* (FISH)
- MYC-IGH* t(8;14) (FISH)
- NR4A3* (FISH)
- NTRK1/2/3* (IHC, évt. FISH)
- PDGFB* (FISH)
- PDGFRA* (4q12) (FISH)
- PDGFRB* (FISH)
- PDL1/2* (9p24) (FISH)
- PML-RARA* t(15;17) (FISH)
- PPARg* (FISH)
- RET* (FISH)
- ROS1* (IHC, évt. FISH)
- SS18* (FISH)
- SYK* (FISH)
- TFE3* (FISH)
- TP63* (FISH)
- USP6* (FISH)
- VAV1* (FISH)

**Agents infectieux (sur matériel FFPE)**

- EBV (EBER) (ISH)
- HPV haut risque (ISH)
- SARS-CoV-2 (RT-qPCR)

**Autres**

- Identification tissulaire :
- Allélotypage (NGS)
- Chr. X / Y (FISH)
- MGMT* méthylation du promoteur
- MLH1* méthylation du promoteur
- MSI instabilité des microsatellites
- Protéines MMR (IHC)
- MSI (PCR)
- Sous-typisation moléculaire GCB/ABC des lymphomes diffus à grandes cellules B (DLBCL) (RT-MLPA)
- Sous-typisation moléculaire DLBCL *versus* PMBL (RT-MLPA)
- Autre :
- .....
- .....
- .....
- .....

**Notes :**

- Cette liste reprend l'ensemble des analyses moléculaires (séquençage, (RT-)PCR, FISH) proposées par notre laboratoire. Les analyses susceptibles d'être prescrites par les cliniciens sont indiquées en noir ; les autres sont en principe réservées à la prescription par des pathologistes.
- Sous réserve de la relecture histologique et des résultats, nous nous réservons le droit d'adapter votre demande et d'effectuer toute autre analyse jugée adéquate.
- Pour les analyses sur sang ou biopsie liquide (plasma, cfDNA), cf. formulaire N°105 (<http://www.chuv.ch/pathologie>).
- Pour les analyses à réaliser sur du matériel provenant d'un laboratoire externe, veuillez svp nous faire parvenir au moins un bloc représentatif de la lésion, une lame HE correspondante ainsi que le rapport d'analyse histopathologique.