



Centre hospitalier
universitaire vaudois

Service de pathologie clinique
Rue du Bugnon 25 1011 Lausanne
<http://www.chuv.ch/pathologie>

Secrétariat

Tél : 021 314 71 11
Fax : 021 314 71 15
Email : lup.secretariat@chuv.ch
Lundi – Vendredi : 8h00-17h00



Patient

Nom:

Prénom:

Sexe:

Date de naissance: ... / ... /

Adresse complète:

N° postal/Localité:

V/réf:

Facture:

☐ Patient (ambulatorio) ☐ Demandeur (hospitalisé)

Caisse maladie:

Etiquette code barres
pour le CHUV



Date de la demande

Jour / Mois / Année:

Signature (si bon papier):

DEMANDEUR:

Nom du médecin:

Adresse:

Bip/Tél:

COPIE(S) à (adresse exacte et complète):

1:

2:

3:

Etiquette
déviante

Matériel à analyser :

☐ Réf. IPA :

☐ Réf. Labo externe :

☐ ADN ou ARN extrait, réf. :

☐ Autre :

⚠ Sang / biopsies liquides : cf. formulaire N° 105

Diagnostic et renseignements cliniques :

Ou

Etiquette
de projet

INDICATIONS STANDARD

Organe / Pathologie	Panels NGS complets	Analyses limitées à	Autres analyses
Poumon (NSCLC) :	☐ Panel NGS 52 gènes ☐ Panel fusions prédictif*	☐ EGFR BRAF HER2 KRAS ☐ ALK ROS1 RET NTRK METex14*	☐ Mécanismes de résistance à
Côlon / Rectum :	☐ Panel NGS 52 gènes	☐ KRAS NRAS BRAF ☐ PIK3CA PTEN	☐ MMR (IHC) ☐ MSI* (PCR)
Sein :	☐ Panel NGS 52 gènes & BRCA1/2*	☐ PIK3CA AKT1 PTEN ☐ ERBB2 (mut) ☐ BRCA1/2* ☐ PALB2*	☐ ESR1*
Ovaire :		☐ BRCA1/2*	
Endomètre :		☐ POLE* ☐ TP53* (mut)	☐ MMR & p53 (IHC) ☐ MSI* (PCR)
Prostate / Pancréas :	☐ Panel HRR 21 gènes*	☐ BRCA1/2*	
Vessie / Voies urinaires :	☐ Panel NGS 52 gènes	☐ FGFR3 (mut)	☐ FGFR2 FGFR3 (FISH ou fusions*)
Voies biliaires :	☐ Panel NGS 52 gènes	☐ IDH1 IDH2	☐ FGFR2 (FISH ou fusions*)
GIST :	☐ Panel NGS 52 gènes	☐ KIT PDGFRA BRAF	☐ SDHB (IHC) ☐ NTRK*
Mélanome :	☐ Panel NGS 52 gènes	☐ BRAF NRAS KIT ☐ GNAQ GNA11	☐ NF1*
Autres marqueurs prédictifs courants :	☐ TMB (tumor mutation burden)* ☐ BRAF V600E ☐ HER2 (IHC +/- FISH)	☐ NTRK (IHC +/- FISH ou fusions*) ☐ RET (FISH ou fusions*) ☐ NY-ESO-1 (IHC)	PD-L1 (IHC) : ☐ TPS ☐ IC ☐ CPS ☐ Protéines MMR (IHC) ☐ MSI* (PCR)

PANELS NGS (séquençage à haut débit)

MUTATIONS +/- CNV	☐ Panel 52 gènes (hotspots) : ABL1 AKT1 ALK APC ATM BRAF CDH1 CDKN2A CSF1R CTNNB1 DDR2 EGFR ERBB2 ERBB4 EZH2 FBXW7 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FLT3 GNA11 GNAQ GNAS HNF1A HRAS IDH1 IDH2 JAK2 JAK3 KDR KIT KRAS MAP2K1 MET MLH1 MPL NOTCH1 NPM1 NRAS PDGFRA PIK3CA PTEN PTPN11 RB1 RET SMAD4 SMARCB1 SMO SRC STK11 TP53 VHL	☐ Panel 400 gènes* : ☐ Analyse complète des 400 gènes (liste sur demande) → cas à annoncer à reseau.oncologie@chuv.ch ☐ Analyse du TMB (tumor mutation burden)	
	☐ Panel hématopathologie* : 223 gènes (liste sur demande)	☐ Panel HRR 21 gènes* : ATM ATR BAP1 BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 FANCA FANCL MRE11 NBN PALB2 PPP2R2A RAD50 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L	
FUSIONS	☐ Panel BRCA1 BRCA2* ☐ avec PALB2*	☐ Panel fusions hématopathologie* : 101 gènes (liste sur demande)	
	☐ Panel fusions prédictif (21 gènes)* : ALK BRAF EGFR ERBB2 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FGR KIT KRAS MET NRG1 NTRK1 NTRK2 NTRK3 NUTM1 PIK3CA PPARG RAF1 RET ROS1	☐ Panel fusions diagnostique* : 145 gènes (liste sur demande)	

Mutations* / Fusions* – URGENT

☐ BRAF V600	(système Idylla)
☐ EGFR exons 18-21	(système Idylla)
☐ ALK ROS1 RET fus & METex14 skipping	(système Idylla)

Mutations* – ULTRASENSIBLE

☐ BRAF V600E	(ddPCR)
☐ ESR1 exons 4 à 8	(ddPCR)
☐ KIT D816V	(ddPCR)
☐ MYD88 L265P	(ddPCR)

Clonalités lymphoïdes*

☐ Réarrangements IGH, IGK, IGL
☐ Réarrangements TRG, TRB, évt. TRD

Autres

☐ Identification tissulaire :
☐ Allélotypage (NGS)
☐ Chr. X / Y (FISH)
☐ MGMT méthylation du promoteur*
☐ MLH1 méthylation du promoteur*
☐ MSI instabilité des microsatellites
☐ Protéines MMR (IHC)
☐ MSI* (PCR)
☐ NF1 (séquence codante complète)*
☐ POLD1 (séquence codante complète)*
☐ POLE (séquence codante complète)*
☐ STK11 (séquence codante complète)*
☐ Sous-typisation moléculaire GCB/ABC des lymphomes diffus à grandes cellules B (DLBCL)* (RT-MLPA)
☐ Sous-typisation moléculaire DLBCL versus PMBL* (RT-MLPA)
☐ TERT mutation du promoteur*
☐ TP53 (séquence codante complète)*
☐ Autre(s) :

Réarrangements / Translocations

☐ ALK (IHC, évt. FISH)
☐ BCL2 ☐ IGH::BCL2 t(14;18) (FISH)
☐ BCL6 ☐ BCL6 ABR (FISH)
☐ BCR::ABL1 t(9;22) (FISH)
☐ CCND1 ☐ CCND2 ☐ CCND3 (FISH)
☐ IGH::CCND1 t(11;14) (FISH)
☐ CIITA* (FISH)
☐ DDIT3 (FISH)
☐ DUSP22 (6p25) (FISH)
☐ ERG (FISH)
☐ ETV6 (FISH)
☐ EWSR1 ☐ EWSR1::FLI1 (FISH)
☐ FGFR1 ☐ FGFR2 ☐ FGFR3 (FISH)
☐ FIP1L1::PDGFRA (4q12) (FISH)
☐ FOXO1 (FISH)
☐ FUS (FISH)
☐ IGH ☐ IGK ☐ IGL (FISH)
☐ IRF4 (6p25) (FISH)
☐ ITK* (FISH)
☐ JAK2 (FISH)
☐ MALT1 (FISH)
☐ MAML2 (FISH)
☐ MLL (KMT2A) (FISH)
☐ MYB (FISH)
☐ MYC ☐ IGH::MYC t(8;14) (FISH)
☐ NOTCH1 (FISH)
☐ NR4A3 (FISH)
☐ NTRK1/2/3 (IHC, évt. FISH)
☐ PDGFB (FISH)
☐ PDGFRA (4q12) (FISH)
☐ PDGFRB (FISH)
☐ PDL1/PDL2 (9p24) (FISH)
☐ PLAG1 (FISH)
☐ PML::RARA t(15;17) (FISH)
☐ PPARg (FISH)
☐ RET (FISH)
☐ ROS1 (IHC, évt. FISH)
☐ SS18 (FISH)
☐ SYK* (FISH)
☐ TFE3 ☐ TFEB (FISH)
☐ TP63 (FISH)
☐ TRB (FISH)
☐ USP6 (FISH)
☐ VAV1* (FISH)

Amplifications / Délétions

☐ 1p / 19q del (FISH)
☐ 1p36 del (FISH)
☐ 7q del (FISH)
☐ 11q aberration (gain/loss) (FISH)
☐ CCND1 ampl (FISH)
☐ CCNE1 ampl (FISH)
☐ CDKN2A (p16/9p21) del (FISH)
☐ CDK4 ampl (FISH)
☐ EGFR ampl (FISH)
☐ FGFR1 ampl (FISH)
☐ HER2 (ERBB2) ampl (IHC, évt. FISH)
☐ Isochromosome 7q (FISH)
☐ Isochromosome 12p (FISH)
☐ MDM2 ampl (FISH)
☐ MET ampl (IHC et/ou FISH)
☐ MYC ampl (FISH)
☐ MYCN (NMYC) ampl (FISH)
☐ PDL1/PDL2 (9p24) ampl (FISH)
☐ RB1 (13q14.2) del (FISH)
☐ SETD2* (3p21) del (FISH)
☐ TP53 (17p13.1) del (FISH)

Agents infectieux (sur matériel FFPE)

☐ EBV (EBER) (ISH)

Pour toute autre analyse de microbiologie sur bloc FFPE, veuillez svp compléter le bon N°151 (CHUV-IMU) et nous l'adresser avec le bloc. Notre laboratoire se charge de l'extraction d'ADN (ou ARN) et le transmet à l'Institut de Microbiologie (IMU).

* Analyses non accréditées

Notes :

- Cette liste reprend l'ensemble des analyses moléculaires (incluant les analyses FISH) proposées par notre laboratoire. Les analyses susceptibles d'être prescrites par les cliniciens sont indiquées en noir ; les autres sont en principe réservées à la prescription par des pathologistes.
- Sous réserve de la relecture histologique et des résultats, nous nous réservons le droit d'adapter votre demande et d'effectuer toute autre analyse jugée adéquate.
- Pour les analyses sur sang ou biopsie liquide (plasma, cfDNA), cf. formulaire N°105 (<http://www.chuv.ch/pathologie>).
- Pour les analyses à réaliser sur du matériel provenant d'un laboratoire externe, veuillez svp nous faire parvenir au moins un bloc représentatif de la lésion, une lame HE correspondante ainsi que le rapport d'analyse histopathologique.