



Centre hospitalier universitaire vaudois

Service de pathologie clinique  
Rue du Bugnon 25 1011 Lausanne  
<http://www.chuv.ch/pathologie>

Secrétariat  
Tél : 021 314 71 11  
Fax : 021 314 71 15  
Email : [lup.secretariat@chuv.ch](mailto:lup.secretariat@chuv.ch)  
Lundi – Vendredi : 8h00-17h00



**Patient**

Nom: .....

Prénom:.....

Sexe: .....

Date de naissance: ... / ... / .....

Adresse complète: .....

N° postal/Localité: .....

V/réf: .....

**Facture:**

Patient (ambulatoire)  Demandeur (hospitalisé)

Caisse maladie: .....

Etiquette code barres pour le CHUV



**Date de la demande**

Jour / Mois / Année:

Signature (si bon papier):

**DEMANDEUR:**

Nom du médecin:.....

Adresse:.....

Bip/Tél:.....

**COPIE(S) à (adresse exacte et complète):**

1: .....

2: .....

3: .....

Etiquette déviation

**Matériel à analyser :**

Réf. IPA : .....

Réf. Labo externe : .....

ADN ou ARN extrait, réf. : .....

Autre : .....

Sang / biopsies liquides : cf. formulaire N° 105

**Diagnostic et renseignements cliniques :**

Ou  
Etiquette de projet

**INDICATIONS STANDARD** (liste complète d'analyses individuelles au verso)

Organe / Pathologie	Panels NGS complets	Analyses limitées à	Autres analyses
<b>Poumon (NSCLC) :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes <input type="checkbox"/> Panel fusions prédictif	<input type="checkbox"/> EGFR BRAF HER2 KRAS <input type="checkbox"/> ALK ROS1 RET NTRK METex14	<input type="checkbox"/> Mécanismes de résistance à .....
<b>Côlon / Rectum :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> KRAS NRAS BRAF	<input type="checkbox"/> MMR (IHC) <input type="checkbox"/> MSI (PCR)
<b>Sein :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes & BRCA1/2	<input type="checkbox"/> PIK3CA <input type="checkbox"/> BRCA1/2 <input type="checkbox"/> ERBB2 (mut)	<input type="checkbox"/> ESR1
<b>Ovaire :</b>		<input type="checkbox"/> BRCA1/2	
<b>Endomètre :</b>		<input type="checkbox"/> POLE <input type="checkbox"/> TP53 (mut)	<input type="checkbox"/> MMR & p53 (IHC) <input type="checkbox"/> MSI (PCR)
<b>Prostate / Pancréas :</b>	<input type="checkbox"/> Panel HRR 21 gènes	<input type="checkbox"/> BRCA1/2	
<b>Vessie / Voies urinaires :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> FGFR3 (mut)	<input type="checkbox"/> FGFR2 FGFR3 (FISH ou fusions)
<b>Voies biliaires :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> IDH1 IDH2	<input type="checkbox"/> FGFR2 (FISH ou fusions)
<b>GIST :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> KIT PDGFRA BRAF	<input type="checkbox"/> SDHB (IHC) <input type="checkbox"/> NTRK
<b>Mélanome :</b>	<input type="checkbox"/> Panel NGS 52 gènes	<input type="checkbox"/> BRAF NRAS KIT <input type="checkbox"/> GNAQ GNA11	<input type="checkbox"/> NF1
<b>Autres marqueurs prédictifs courants :</b>	<input type="checkbox"/> TMB (tumor mutation burden) <input type="checkbox"/> NTRK (IHC +/- FISH ou fusions) <input type="checkbox"/> HER2 (IHC +/- FISH)	<input type="checkbox"/> Protéines MMR (IHC) <input type="checkbox"/> MSI (PCR) <input type="checkbox"/> POLE (NGS)	PD-L1 (IHC) : <input type="checkbox"/> TPS <input type="checkbox"/> IC <input type="checkbox"/> CPS

**PANELS NGS (séquençage à haut débit)**

<b>MUTATIONS +/- CNV</b>	<input type="checkbox"/> <b>Panel 52 gènes (hotspots) :</b> ABL1 AKT1 ALK APC ATM BRAF CDH1 CDKN2A CSF1R CTNNB1 DDR2 EGFR ERBB2 ERBB4 EZH2 FBXW7 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FLT3 GNA11 GNAQ GNAS HNF1A HRAS IDH1 IDH2 JAK2 JAK3 KDR KIT KRAS MAP2K1 MET MLH1 MPL NOTCH1 NPM1 NRAS PDGFRA PIK3CA PTEN PTPN11 RB1 RET SMAD4 SMARCB1 SMO SRC STK11 TP53 VHL	<input type="checkbox"/> <b>Panel 400 gènes :</b> <input type="checkbox"/> Analyse complète des 400 gènes (liste sur demande) → cas à annoncer à <a href="mailto:reseau.oncologie@chuv.ch">reseau.oncologie@chuv.ch</a> <input type="checkbox"/> Analyse du TMB (tumor mutation burden)
	<input type="checkbox"/> <b>Panel hématopathologie :</b> 142 gènes (liste sur demande)	<input type="checkbox"/> <b>Panel HRR 21 gènes :</b> ATM ATR BAP1 BARD1 BRCA1 BRCA2 BRIP1 CDK12 CHEK1 CHEK2 FANCA FANCL MRE11 NBN PALB2 PPP2R2A RAD50 RAD51B RAD51C RAD51D RAD54L
<b>FUSIONS</b>	<input type="checkbox"/> <b>Panel BRCA1 BRCA2</b>	<input type="checkbox"/> <b>Panel fusions hématopathologie :</b> 89 gènes (liste sur demande)
	<input type="checkbox"/> <b>Panel fusions prédictif (21 gènes) :</b> ALK BRAF EGFR ERBB2 FGFR1 FGFR2 FGFR3 FGR KIT KRAS MET NRG1 NTRK1 NTRK2 NTRK3 NUTM1 PIK3CA PPARG RAF1 RET ROS1	<input type="checkbox"/> <b>Panel fusions diagnostique :</b> 145 gènes (liste sur demande)

**Mutations / Fusions – URGENT**

<input type="checkbox"/> BRAF exon 15	(système Idylla)
<input type="checkbox"/> EGFR exons 18-21	(système Idylla)
<input type="checkbox"/> ALK ROS1 RET	(système Idylla)
NTRK fusions & METex14 skipping	

**Mutations / Indels**

<input type="checkbox"/> BRAF exons 11, 15	
<input type="checkbox"/> CXCR4 exon 2	
<input type="checkbox"/> CTNNB1 exon 3 (beta-caténine)	
<input type="checkbox"/> EGFR exons 18-21	
<input type="checkbox"/> EGFR exon 20 (insertions, résistances)	
<input type="checkbox"/> GNA11 exon 5	<input type="checkbox"/> GNAQ exon 5
<input type="checkbox"/> GNAS exons 8-9	
<input type="checkbox"/> HER2 (ERBB2) exon 20	
<input type="checkbox"/> HRAS exons 2-3	
<input type="checkbox"/> IDH1 exon 4	<input type="checkbox"/> IDH2 exon 4
<input type="checkbox"/> KIT exons 9, 11, 13,17	
<input type="checkbox"/> KRAS exons 2, 3, 4	
<input type="checkbox"/> MET exon 14 skipping mutations	
<input type="checkbox"/> MYD88 exon 5	
<input type="checkbox"/> NF1 (séquence codante complète)	
<input type="checkbox"/> NRAS exons 2, 3, 4	
<input type="checkbox"/> PDGFRA exons 12, 14, 18	
<input type="checkbox"/> PIK3CA exons 10, 21	
<input type="checkbox"/> POLD1 (séquence codante complète)	
<input type="checkbox"/> POLE (séquence codante complète)	
<input type="checkbox"/> STAT3 exon 21	
<input type="checkbox"/> STAT5B exon 16	
<input type="checkbox"/> STK11 (séquence codante complète)	
<input type="checkbox"/> TERT promoteur	
<input type="checkbox"/> TP53 (séquence codante complète)	

**Clonalités lymphoïdes**

<input type="checkbox"/> Réarrangements IGH, IGK, IGL
<input type="checkbox"/> Réarrangements TRG, TRB, évt. TRD

**Agents infectieux (sur matériel FFPE)**

<input type="checkbox"/> EBV (EBER)	(ISH)
<input type="checkbox"/> HPV haut risque	(ISH)

Pour toute autre analyse de microbiologie sur bloc FFPE, veuillez svp compléter le bon N°151 (CHUV-IMU) et nous l'adresser avec le bloc. Notre laboratoire se charge de l'extraction d'ADN (ou ARN) et le transmet à l'Institut de Microbiologie (IMU).

**Réarrangements / Translocations**

<input type="checkbox"/> ALK	(IHC, évt. FISH)	
<input type="checkbox"/> BCL2	(FISH)	
<input type="checkbox"/> IGH::BCL2 t(14;18)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> BCL6	<input type="checkbox"/> BCL6 ABR (FISH)	
<input type="checkbox"/> BCR::ABL1 t(9;22)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> CCND1	<input type="checkbox"/> CCND2	<input type="checkbox"/> CCND3 (FISH)
<input type="checkbox"/> IGH::CCND1 t(11;14)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> CIITA	(FISH)	
<input type="checkbox"/> DDIT3	(FISH)	
<input type="checkbox"/> DUSP22 (6p25)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> ERG	(FISH)	
<input type="checkbox"/> ETV6	(FISH)	
<input type="checkbox"/> EWSR1	<input type="checkbox"/> EWSR1::FLI1 (FISH)	
<input type="checkbox"/> FGFR1	<input type="checkbox"/> FGFR2	<input type="checkbox"/> FGFR3 (FISH)
<input type="checkbox"/> FIP1L1::PDGFRA (4q12)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> FOXO1	(FISH)	
<input type="checkbox"/> FUS	(FISH)	
<input type="checkbox"/> IGH	<input type="checkbox"/> IGK	<input type="checkbox"/> IGL (FISH)
<input type="checkbox"/> IRF4 (6p25)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> ITK	(FISH)	
<input type="checkbox"/> JAK2	(FISH)	
<input type="checkbox"/> MALT1	(FISH)	
<input type="checkbox"/> MAML2	(FISH)	
<input type="checkbox"/> MLL (KMT2A)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> MYB	(FISH)	
<input type="checkbox"/> MYC	(FISH)	
<input type="checkbox"/> IGH::MYC t(8;14)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> NR4A3	(FISH)	
<input type="checkbox"/> NTRK1/2/3	(IHC, évt. FISH)	
<input type="checkbox"/> PDGFB	(FISH)	
<input type="checkbox"/> PDGFRA (4q12)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> PDGFRB	(FISH)	
<input type="checkbox"/> PDL1/PDL2 (9p24)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> PLAG1	(FISH)	
<input type="checkbox"/> PML::RARA t(15;17)	(FISH)	
<input type="checkbox"/> PPARg	(FISH)	
<input type="checkbox"/> RET	(FISH)	
<input type="checkbox"/> ROS1	(IHC, évt. FISH)	
<input type="checkbox"/> SS18	(FISH)	
<input type="checkbox"/> SYK	(FISH)	
<input type="checkbox"/> TFE3	<input type="checkbox"/> TFEB (FISH)	
<input type="checkbox"/> TP63	(FISH)	
<input type="checkbox"/> USP6	(FISH)	
<input type="checkbox"/> VAV1	(FISH)	

**Amplifications / Délétions**

<input type="checkbox"/> 1p / 19q del	(FISH)
<input type="checkbox"/> 1p36 del	(FISH)
<input type="checkbox"/> 7q del	(FISH)
<input type="checkbox"/> 11q aberration (gain/loss)	(FISH)
<input type="checkbox"/> CCND1 ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> CCNE1 ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> CDKN2A (p16/9p21) del	(FISH)
<input type="checkbox"/> CDK4 ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> EGFR ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> FGFR1 ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> HER2 (ERBB2) ampl	(IHC, évt. FISH)
<input type="checkbox"/> Isochromosome 7q	(FISH)
<input type="checkbox"/> Isochromosome 12p	(FISH)
<input type="checkbox"/> MDM2 ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> MET ampl	(IHC et/ou FISH)
<input type="checkbox"/> MYC ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> MYCN (NMYC) ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> PDL1/PDL2 (9p24) ampl	(FISH)
<input type="checkbox"/> RB1 (13q14.2) del	(FISH)
<input type="checkbox"/> SETD2 (3p21) del	(FISH)
<input type="checkbox"/> TP53 (17p13.1) del	(FISH)

**Autres**

<input type="checkbox"/> Identification tissulaire :	
<input type="checkbox"/> Allélotypage	(NGS)
<input type="checkbox"/> Chr. X / Y	(FISH)
<input type="checkbox"/> MGMT méthylation du promoteur	
<input type="checkbox"/> MLH1 méthylation du promoteur	
<input type="checkbox"/> MSI instabilité des microsatellites	
<input type="checkbox"/> Protéines MMR	(IHC)
<input type="checkbox"/> MSI	(PCR)
<input type="checkbox"/> Sous-typisation moléculaire GCB/ABC des lymphomes diffus à grandes cellules B (DLBCL)	(RT-MLPA)
<input type="checkbox"/> Sous-typisation moléculaire DLBCL versus PMBL	(RT-MLPA)
<input type="checkbox"/> Autre(s) :	

**Notes :**

- Cette liste reprend l'ensemble des analyses moléculaires (incluant les analyses FISH) proposées par notre laboratoire. Les analyses susceptibles d'être prescrites par les cliniciens sont indiquées en noir ; les autres sont en principe réservées à la prescription par des pathologistes.
- Sous réserve de la relecture histologique et des résultats, nous nous réservons le droit d'adapter votre demande et d'effectuer toute autre analyse jugée adéquate.
- Pour les analyses sur sang ou biopsie liquide (plasma, cfDNA), cf. formulaire N°105 (<http://www.chuv.ch/pathologie>).
- Pour les analyses à réaliser sur du matériel provenant d'un laboratoire externe, veuillez svp nous faire parvenir au moins un bloc représentatif de la lésion, une lame HE correspondante ainsi que le rapport d'analyse histopathologique.