

DEMANDE D'ANALYSE ONCOGENOMIQUE



Centre hospitalier
universitaire vaudois



Service d'hématologie
Laboratoire d'oncogénomique
Réception des laboratoires BH18-100
1011 Lausanne
Tél. : 021 314 33 93
Fax : 021 314 34 44
e-mail : log@chuv.ch
<http://www.chuv.ch/log>
Ouverture du laboratoire :
Lundi-vendredi 08h00 – 17h00

PATIENT

Nom :
Prénom :
Adresse :
Date de naissance :

Sexe : Masculin Féminin

Réf. :

Date de
prélèvement :

FACTURATION

Patient
 Demandeur

PROVENANCE

Médecin :

Tél./BIP :

Hôpital :

Service :

COPIE(S) de résultats souhaitée(s) :

MATERIEL

Héparinate de lithium, conserver à
température ambiante

Si < 2ml justifier pourquoi peu de matériel svp :

- Moelle
 Biopsie médullaire
 Sang médullaire
 Sang périphérique, proportion de blastes (%) :.....
 Autre :

STATUS

- Présentation
 Suivi : Rémission
 Evolution
 Récidive

Date diagnostic
initial :

.....

THERAPIE

- Non
 Oui
Type :

GREFFE

- Non
 Oui

Date :

- Autologue
 Allogénique Sexe donneur :
 Masculin
 Féminin

AUTRE PATHOLOGIE

- Antérieure
 Associée

Type :

DIAGNOSTIC

- Préliminaire Définitif

Néoplasies Myéloïdes :

- Leucémie myéloïde aiguë (LMA)
 Syndrome myélodysplasique (SMD)
 Néoplasie myélodysplasique/myéloproliférative : LMMC Autre
 Néoplasie myéloproliférative (NMP) : PV TE MFP Autre
 Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec éosinophilie
 Anémie aplasique
 Mastocytose
 Leucémie myéloïde chronique (LMC)
 Autre.....

Néoplasies Lymphoïdes :

- Néoplasie à précurseurs lymphoïdes (LLA) : B T
 Leucémie lymphocytaire chronique (LLC)
 Néoplasies plasmocytaires Myélome MGUS Autre
 Waldenström
 Lymphome
 Autre.....

METHODES*

- Cytogénétique conventionnelle (CC)
 SNP array (PUCE)
 Hybridation in situ fluorescente (FISH) :
 Panel éosinophilie (FISH)
(Réarrangements *FIP1L1-PDGFRB*, *PDGFRB*, *FGFR1*, *JAK2*)
 Séquençage à haut débit (NGS ARN, 687 Fusions)
 Séquençage à haut débit (NGS ADN)
 Panel Myéloïde (*ASXL1*, *BCOR*, *BRAF*, *CALR*, *CBL*, *CEBPA*,
CSF3R, *DNMT3A*, *ETV6*, *EZH2*, *FLT3*, *FLT3-ITD*, *GATA2*,
HRAS, *IDH1*, *IDH2*, *JAK2*, *KIT*, *KRAS*, *MPL*, *NPM1*, *NRAS*,
PHF6, *PRPF8*, *PTPN11*, *RUNX1*, *SETBP1*, *SF3B1*, *SH2B3*,
SRSF2, *STAG2*, *TET2*, *TP53*, *U2AF1*, *WT1*, *ZRSR2*)
 Panel Myélome (*TP53*, *BRAF*, *NRAS*, *KRAS*)
 TP53 seul
 Digital PCR (ddPCR)
 KIT c.2447A>T p.D816V
 MYD88 c.794T>C p.L265P
 BRAF c.1799T>C p.V600E
 NOTCH1 c.7541_7542delCT p.P2514Rfs*4

Remarques :

*METHODES : Vous trouverez plus d'informations sur notre site internet www.chuv.ch/log. Il n'y a aucune obligation de sélectionner la méthode à utiliser. Si aucune méthode n'est spécifiée, le laboratoire va effectuer les analyses oncogénomiques les plus appropriées en fonction du diagnostic.