

# DEMANDE D'ANALYSE ONCOGENOMIQUE



Service d'hématologie  
 Laboratoire d'oncogénomique  
 Réception des laboratoires BH18-100  
 1011 Lausanne <http://www.chuv.ch/log>  
 Tél. : 021 314 33 93 e-mail : log@chuv.ch  
 Ouverture du laboratoire : lundi-vendredi 08h00-17h00



## PATIENT

Nom :  
 Prénom :  
 Adresse :  
 Date de naissance :  
 Sexe :  Masculin  Féminin

Date de prélèvement :

## FACTURATION

Patient  
 Demandeur

## PROVENANCE

Médecin :  
 Tél./BIP :  
 Hôpital :  
 Service :

COPIE(S) de résultats souhaitée(s) :

## CONSENTEMENT POUR ANALYSES BIOLOGIQUES

Suite à toute analyse biologique effectuée dans notre laboratoire, tout échantillon ou produit d'analyse :

- Peut être stocké au laboratoire afin de pouvoir répondre à une demande de rajout d'analyses par le médecin demandeur (par défaut)
- Peut être utilisé pour le développement et la recherche (par défaut)
- Doit être détruit

Chaque test de génétique constitutionnelle doit s'accompagner d'un conseil génétique (Loi sur l'analyse génétique humaine - LAGH). Par sa signature le médecin demandeur atteste avoir informé la personne concernée selon les obligations légales en vigueur pour la génétique constitutionnelle et avoir reçu son consentement pour les analyses génétiques et toutes les autres analyses biologiques.

Signature du médecin demandeur obligatoire :

## MATERIEL

Héparinate de lithium, conserver à température ambiante

Si < 2ml justifier pourquoi peu de matériel svp :

- Moelle  
 Biopsie  
 Sang périphérique, proportion de blastes (%) :.....  
 Autre : .....

## STATUT

- Présentation  
 Suivi :  Rémission .....  
 Récidive/Progression  
 Transformation

Date diagnostic initial :

## THERAPIE / AUTRE PATHOLOGIE

- Non  
 Oui  
 Remarques :

## GREFFE

- Date : .....  
 Non  Oui  Autologue  
 Allogénique

Sexe donneur :  Masculin  
 Féminin

## DIAGNOSTIC

Préliminaire  Définitif

- LMA  SMD  LMMC  SMD-NMP  NMP  PV  TE  MFP  
 Eosinophilie  AA/AAS  Mastocytose  LMC  LLA-B  LLA-T  Myélome  MGUS  
 LLC  Waldenström  Lymphome (Type :.....)  Syndr. VEXAS  Autres : .....

Remarques :

## METHODES

- Analyses standards selon diagnostic  Analyses standards sans NGS/ddPCR selon diagnostic  
 (Si aucune méthode n'est spécifiée, le laboratoire va effectuer les analyses oncogénomiques les plus appropriées en fonction du diagnostic)

En dehors des analyses standards, les analyses suivantes peuvent être effectuées :

- Cytogénétique conventionnelle (CC)  
 SNP array (PUCE)  
 Hybridation in situ fluorescente (FISH) : .....  
 Séquençage à haut débit (NGS ADN, analyse de mutations)  
 Panel Myéloïde standard (voir détail des gènes ci-dessous\*)  
 Autres Gènes à dispositions (voir détail des gènes ci-dessous\*\*) : .....  
 Panel Myélome (TP53, BRAF, NRAS, KRAS)  
 TP53 seul
- Digital PCR (ddPCR)  
 KIT c.2447A>T p.D816V  
 MYD88 c.794T>C p.L265P  
 BRAF c.1799T>C p.V600E  
 NOTCH1 c.7541\_7542delCT p.P2514Rfs\*4
- Séquençage à haut débit (NGS ARN, 687 Fusions)  
 UBA1 (Syndr. VEXAS) séquençage gène entier

### Analyses standards selon diagnostic

- Panel LMA (CC, SNP array, FISH KMT2A, MECOM, RUNX1, NGS panel myéloïde standard\*)
  - Panel SMD/AA (SNP array, NGS panel myéloïde standard\*)
  - Panel éosinophilie (CC, FISH FIP1L1::PDGFRA, PDGFRB, FGFR1, JAK2)
  - Panel SMD-NMP/LMMC (CC, SNP array, NGS panel myéloïde standard\*)
  - Panel LMC (CC)
  - Panel NMP (CC, NGS panel myéloïde standard\* y compris JAK2 ex12+14, MPL, CALR)
  - Panel LLA (CC, SNP array, recherche des réarrangements KMT2A, TCF3, ETV6::RUNX1, BCR::ABL1)
  - Panel LLC (SNP array, NGS TP53)
  - Panel Myélome (SNP array, Panel Myélome NGS, FISH IGH)  
 Si IGH positif : Recherche IGH::CCND1, IGH::FGFR3, IGH::MAF
  - Panel Mastocytose (CC, ddPCR KIT)
  - Panel Waldenström (CC, ddPCR MYD88)
- \* Gènes NGS panel myéloïde standard : ASXL1, BCOR, BCORL1, BRAF, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, CUX1, DDX41, DNMT3A, ETNK1, ETV6, EZH2, FLT3, GATA2, GNB1, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NPM1, NF1, NRAS, PHF6, PPM1D, PRPF8, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, UBA1, U2AF1, WT1, ZRSR2 + Analyse de fragments FLT3-ITD, ASXL1  
 \*\*Gènes NGS supplémentaires à disposition : CXCR4, ARID1A, SMC3, RAD21, GATA1, SETD1B, KMT2D, XPO1, CSF3R (gène entier)

Remarques :

